

Ficha Técnica

Nome da Análise:	TC1507 Quantificação de milho GM por RTi-PCR
Número do Método:	LI-00.397
Escopo de Aplicação:	DNA extraído de matérias-primas, derivados (por exemplo, farinha, semolina, grãos) e produtos acabados
Descrição:	<p>Um sistema multiplex de PCR em tempo real foi desenvolvido para amplificar respectivamente, o gene zeína endógeno (específico para milho) e o alvo específico da construção para o evento TC1507 de milho GM de forma que ambas as amplificações sejam realizadas na mesma reação sem qualquer interferência (PCR multiplex). Para esta finalidade, duas sondas fluorescentes, respectivamente específicas para TC1507 milho GM e gene zeína são usados no mesmo ensaio, além dos primers de PCR direta e reversa.</p> <p>Duas curvas padrão, em relação ao TC1507 e à porção zeína são estabelecidas com base em amplificações de PCR de quantidades conhecidas de TC1507 DNA de milho GM extraído de material de referência. Ambas as curvas padrão são necessárias, uma vez que o teor de milho GM em amostras desconhecidas deve ser quantificado na porção de milho.</p>
Quantidade de Amostra:	DNA extraído de LI-00.385
Plataforma Analítica:	PCR em tempo real

Analito reportado	Unidade de medida	Limite de quantificação (LOQ)
Milho GM (milho) TC1507	% (m/m)	0.05